

FIGURE 1

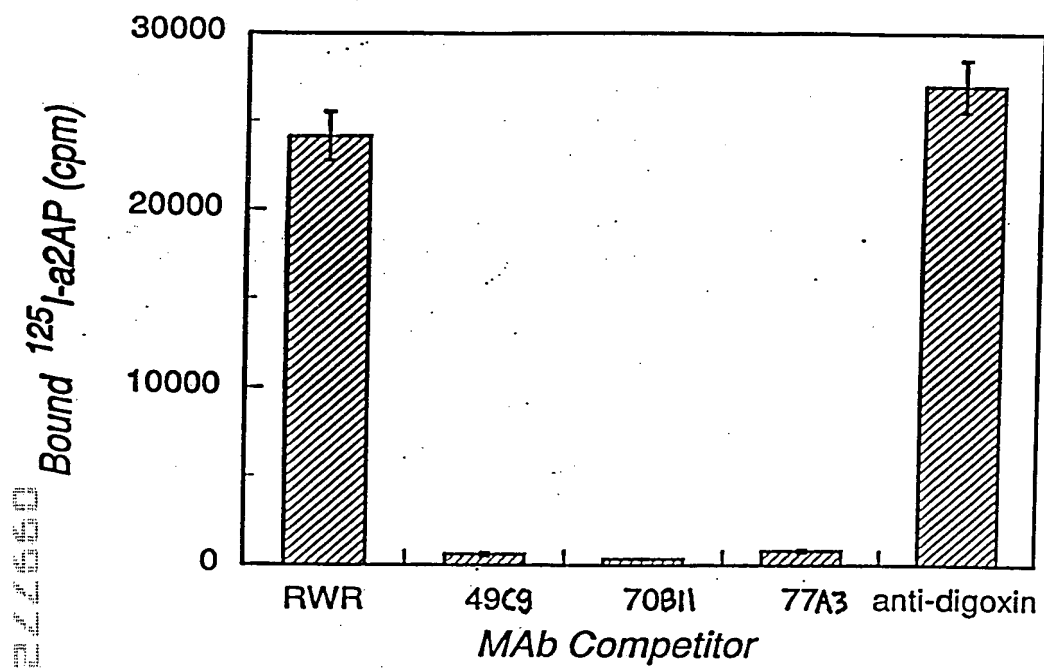


FIGURE 2

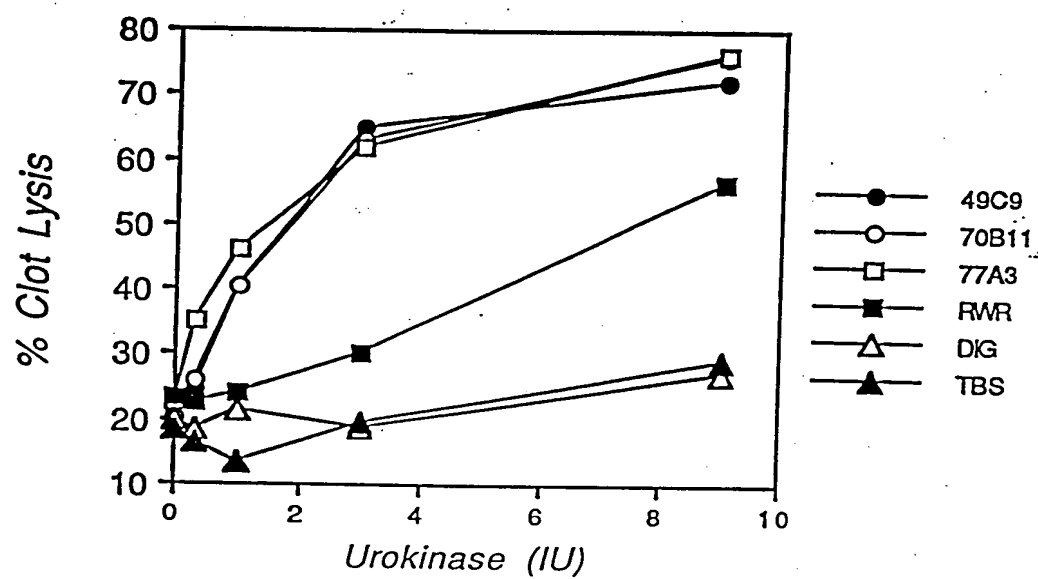


FIGURE 3

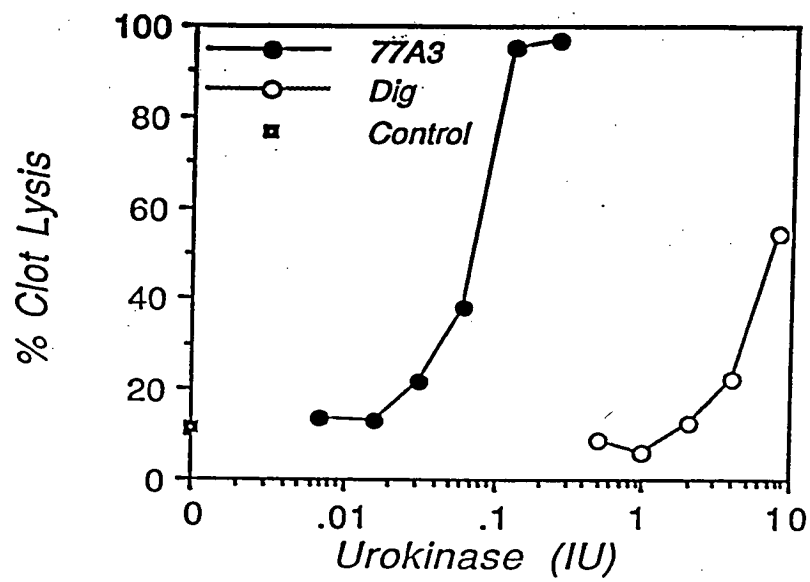


FIGURE 4

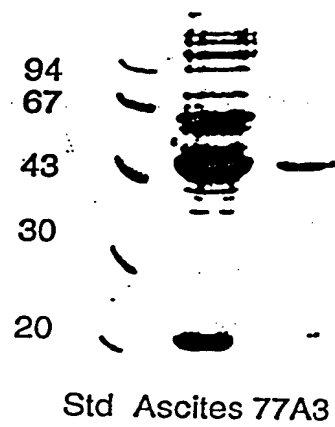


FIGURE 5

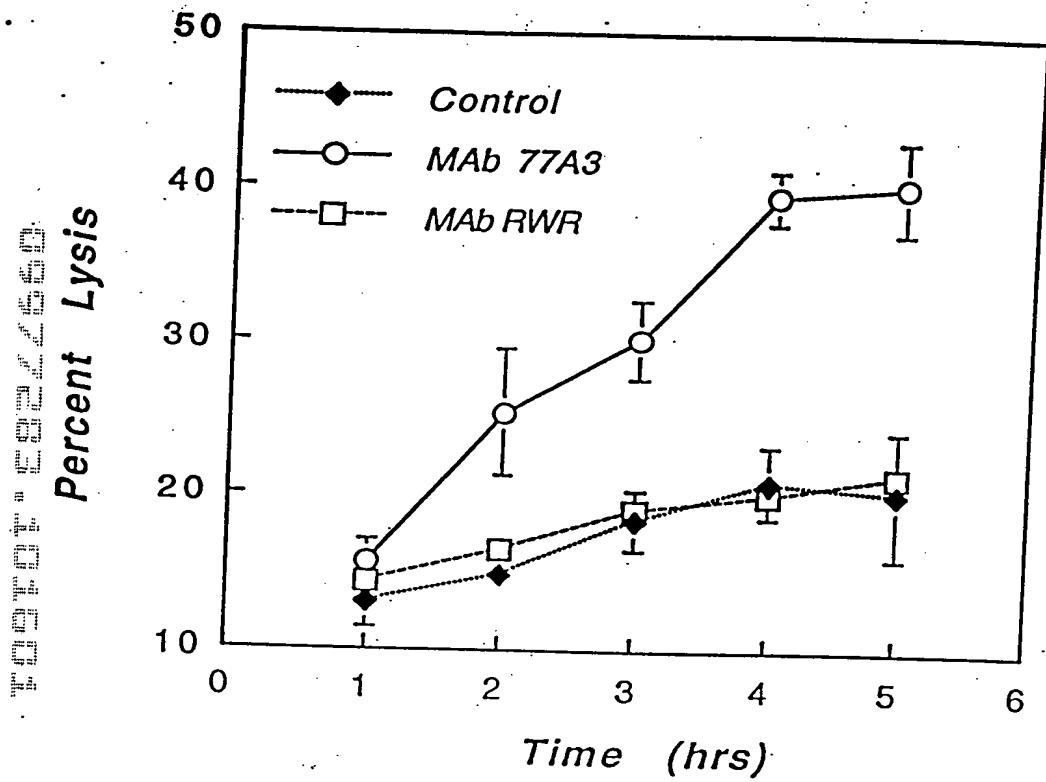


FIGURE 6

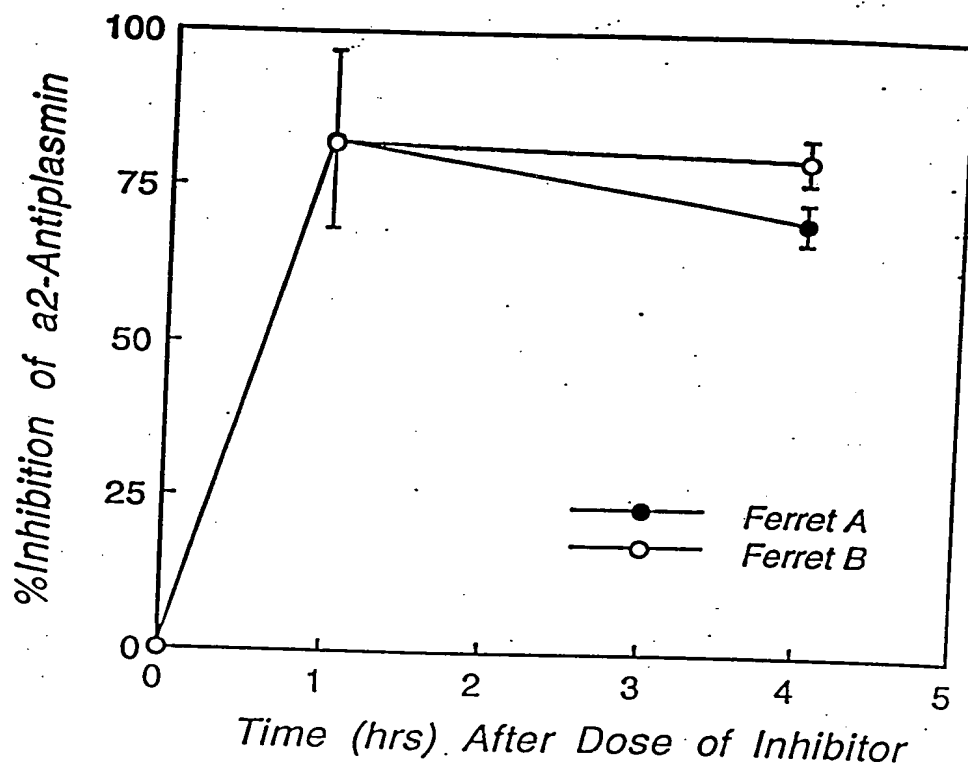


FIGURE 7

103701 69272660

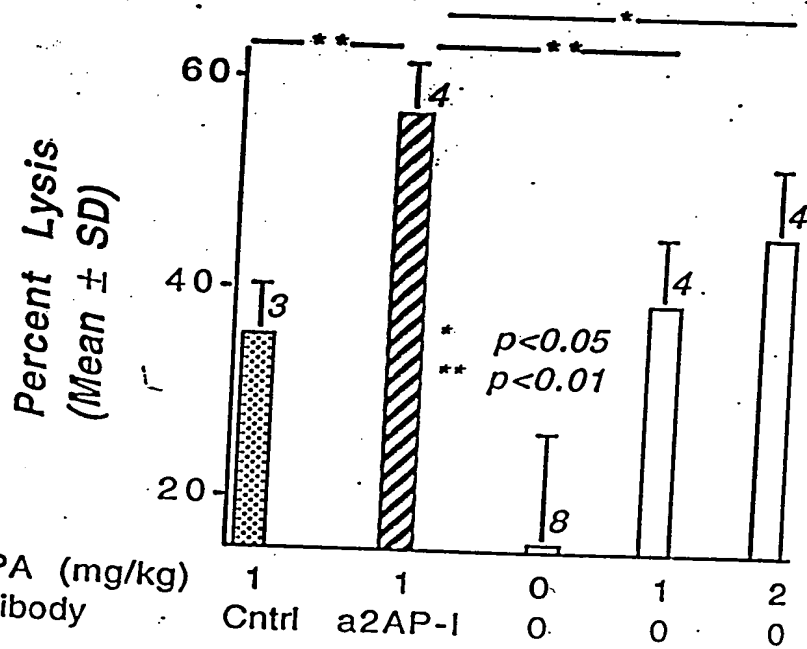


FIGURE 8

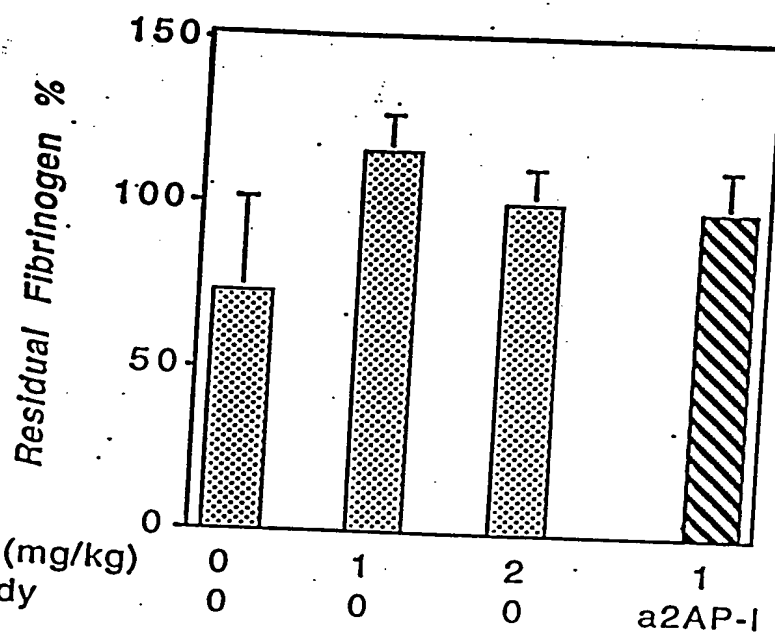


FIGURE 9

Fig. 10

MAb Light Chain	Amino Terminal Sequence
49C9	xIQMTQSPASLSASV
70B11	DIQMT
77A3	xIQMTQSPASLSASV

For 20240600

Fig. 11

```

      10          20          30          40          50          60
      *          *          G *          *          *          *
ATGAGTGTGC TCACTCAGGT CCTGGCGTTG CTGCTGCTGT GGCTTACAGG TGCCAGATGT
M S V L T Q V L G L L L L W L T G A R C>
                        A
      70          80          90          100          110          120
      *          *          *          *          *          *
GACATCCAGA TGA CTCAGTC TCCAGCCTCC CTATCTGCAT CTGTGGGAGA AACTGTCACC
D I Q M T Q S P A S L S A S V G E T V T>

      130          140          150          160          170          180
      *          *          *          *          *          *
ATCACATGTC GAGCAAGTGG GAATATTCAC AATTATTTAG CATGGTATCA GCAGAAACAG
I T C R A S G N I H N Y L A W Y Q Q K Q>

      190          200          210          220          230          240
      *          *          *          *          *          *
GGAAAATCTC CTCAGCTCCT GGTCTATAAT GCAAAAACCT TAGCAGATGG TGTGCCATCA
G K S P Q L L V Y N A K T L A D G V P S>

      250          260          270          280          290          300
      *          *          *          *          *          *
AGGTTTCAGTG GCAGTGGATC AGGAACACAA TTTTCTCTCA GGATCAACAG CCTGCAGCCT
R F S G S G S G T Q F S L R I N S L Q P>

      310          320          330          340          350          360
      *          *          *          *          *          *
GAAGATTTTG GGAGTCATTA CTGTCAACAT TTTTGGACCA CTCCGTGGAC GTTCGGTGGGA
E D F G S H Y C Q H F W T T P W T F G G>

      370          380
      *          *
GGCACCAAGC TGGAAATCAA A
G T K L E I K

```

00722460

[illegible]

10	20	30	40	50	60
*	*	*	*	*	*
ATGAGTGTGC TCACTCAGGT CCTGGGGTTG CTGCTGCTGT GGCTTACAGG TGCCAGATGT					
M S V L T Q V L G L L L L W L T G A R C>					
70	80	90	100	110	120
*	*	*	*	*	*
GACATCCAGA TGACTCAGTC TCCAGCCTCC CTATCTGCAT CTGTGGGAGA AACTGTCACC					
D I Q M T Q S P A S L S A S V G E T V T>					
130	140	150	160	170	180
*	*	*	*	*	*
GTCACATGTC GAGCAAGTGG GAATATTCAC AATTATTTAG CATGGTATCA GCAGAAACAG					
V T C R A S G N I H N Y L A W Y Q Q K Q>					
190	200	210	220	230	240
*	*	*	*	*	*
GGAAAATCTC CTCAGCTCCT GGTCTATAAT GCAAGAACCT TAGCAGATGG TGTGCCATCA					
G K S P Q L L V Y N A R T L A D G V P S>					
250	260	270	280	290	300
*	*	*	*	*	*
AGGTTTCAGTG GCAGTGGATC AGGAACACAA TATTCTCTCA AGATCAACAG CCTGCAGCCT					
R F S G S G S G T Q Y S L K I N S L Q P>					
310	320	330	340	350	360
*	*	*	*	*	*
GAAGATTTTG GGAGTTATTA CTGTCAACAT TTTTGGAGTA ATCCGTGGAC GTTCGGTGGG					
E D F G S Y Y C Q H F W S N P W T F G G>					
370	380				
*	*				
GGCACCAAGC TGGAAATCAA					
G T K L E I K					

Fig. 13

10	20	30	40	50	60
*	*	*	*	*	*
ATGAGTGTGC TCACTCAGGT CCTGGCGTTG CTGCTGCTGT GGCTTACAGG TGCCAGATGT					
M S V L T Q V L A L L L L W L T G A R C>					
70	80	90	100	110	120
*	*	*	*	*	*
GACATCCAGA TGACTCAGTC TCCAGCCTCC CTATCTGCAT CTGTGGGAGA AACTGTCACC					
D I Q M T Q S P A S L S A S V G E T V T>					
130	140	150	160	170	180
*	*	*	*	*	*
ATCACATGTC GAGCAAGTGG GAATATTCAC AATTATTTAG CATGGTATCA GCAGAAACAG					
I T C R A S G N I H N Y L A W Y Q Q K Q>					
190	200	210	220	230	240
*	*	*	*	*	*
GGAAAATCTC CTCAACTCCT GGTCTATAAT GCAAAAACCT TAGCAGATGG TGTGCCATCA					
G K S P Q L L V Y N A K T L A D G V P S>					
250	260	270	280	290	300
*	*	*	*	*	*
AGGTTTCAGTG GCAGTGGATC AGGAACACAA TTTTCTCTCA AGATCAACAG CCTGCAGCCT					
R F S G S G S G T Q F S L K I N S L Q P>					
310	320	330	340	350	360
*	*	*	*	*	*
GAAGATTTTG GGAGTCATTA CTGTCAACAT TTTTGGACCA CTCCGTGGAC GTTCGGTGGG					
E D F G S H Y C Q H F W T T P W T F G G>					
370	380				
*	*				
GGCACCAAGC TGGAAATCAA A					
G T K L E I K					

0972272560

1. The first step is to identify the problem or question that needs to be addressed. This involves understanding the context and the specific requirements of the task.

9	19	29	39	49	59
*	*	*	*	*	*
ATGGMTTGG	GTGTGGAMCT	TGCTATTCTT	GATGGCAGCT	GCCCAAAGTC	TCCAAGCACA
M A W	V W N	L L F L	M A A	A Q S	L Q A Q>
D	T				
69	79	89	99	109	119
*	*	*	*	*	*
GATCCAGTTG	GTGCAGTCTG	GACCTGAGCT	GAAGAAGCCT	GGAGAAACAG	TCAAGATCTC
I Q L	V Q S	G P E L	K K P	G E T	V K I S>
129	139	149	159	169	179
*	*	*	*	*	*
CTGCAAGGCC	TCTGGGTATA	CCTTCACAAA	CTATGGAATG	AACTGGGTGA	AGCAGGCTCC
C K A	S G Y	T F T N	Y G M	N W V	K Q A P>
189	199	209	219	229	239
*	*	*	*	*	*
AGGAAAGGGT	TTAAAGTGGG	TGGGCTGGAT	AAACACCAAG	AGTGGAGAGC	CAACATATGC
G K G	L K W	M G W I	N T K	S G E	P T Y A>
249	259	269	279	289	299
*	*	*	*	*	*
TGAAGAGTTC	AAGGGACGGT	TTGTCTTCTC	TTTGGAAACC	TCTGCCAGCA	CTGCCCATTT
E E F	K G R	F V F S	L E T	S A S	T A H L>
309	319	329	339	349	359
*	*	*	*	*	*
GCAGATCAAG	AATTCAGAA	ATGAGGACAC	GGCTACATAT	TTCTGTGCAA	GATGGGTACC
Q I K	N F R	N E D T	A T Y	F C A	R W V P>
369	379	389	399	409	
*	*	*	*	*	
TGGGACCTAT	GCTATGGACT	ACTGGGGTCA	AGGAACCTCA	GTCACCGTCT	CCTCA
G T Y	A M D	Y W G Q	G T S	V T V	S S>

H3 HC (70B11 heavy chain) Fig. 15

10	20	30	40	50	60
*	*	*	*	*	*
ATGGMTTGGG	TGTGGAMCTT	GCTATTCCTG	ATGGCAGCTG	CCCAAAGTAT	CCAAGCACAG
M A W V W N L	L F L M A A A Q S I	Q A Q>			
D	T				
70	80	90	100	110	120
*	*	*	*	*	*
ATCCAGTTGG	TGCAGTCTGG	ACCTGAGCTG	AAGAAGCCTG	GAGAGACAGT	CAAGATCTCC
I Q L V Q S G	P E L K K P G E T V	K I S>			
130	140	150	160	170	180
*	*	*	*	*	*
TGCAAGGCTT	CTGGGTATAC	CTTCACAAAG	TATGGAATGA	ACTGGGTGAA	GCAGGCTCCA
C K A S G Y T	F T K Y G M N W V K	Q A P>			
190	200	210	220	230	240
*	*	*	*	*	*
GGAAAGGGTT	TAAAGTGGAT	GGGCTGGATA	AACACCAACA	GTGGAGAGCC	AACATATGCT
G K G L K W M	G W I N T N S G E P	T Y A>			
250	260	270	280	290	300
*	*	*	*	*	*
GAAGAGTTCA	AGGGACGGTT	TGCCTTCTCT	TTGGAAACCT	CTGCCAGCAC	TGCCTATTTG
E E F K G R F	A F S L E T S A S T	A Y L>			
310	320	330	340	350	360
*	*	*	*	*	*
CAGATCAACA	ACCTCAAAAA	TGAGGACTCG	GCTACATATT	TCTGTGCAAG	ATGGGTACCT
Q I N N L K N	E D S A T Y F C A R	W V P>			
370	380	390	400	410	
*	*	*	*	*	
GGGACCTATG	CTATGGACTA	CTGGGGTCAA	GGAACCTCAG	TCACCGTCTC	CTCA
G T Y A M D Y	W G Q G T S V T V S	S>			

0007007-0400

H4 HC (77A3 heavy chain) Fig. 16

10	20	30	40	50	60
*	*	*	*	*	*
ATGGMTTGGG	TGTGGAMCTT	GCTATTCCTG	ATGGCAGCTG	CCCAAAGTAT	CCAAGCACAG
M A W	V W N L	L F L	M A A	A Q S I	Q A Q>
D	T				
70	80	90	100	110	120
*	*	*	*	*	*
ATCCAGTTGG	TGCAGTCTGG	ACCTGAGCTG	AAGAAGCCTG	GAGAAACAGT	CAAGATCTCC
I Q L	V Q S G	P E L	K K P	G E T V	K I S>
130	140	150	160	170	180
*	*	*	*	*	*
TGCAAGGCTT	CTGGGTATAC	CTTCACAAAC	TATGGAATGA	ACTGGGTGAA	GCAGGCTCCA
C K A	S G Y T	F T N	Y G M	N W V K	Q A P>
190	200	210	220	230	240
*	*	*	*	*	*
GGAAAGGGTT	TAAAGTGGAT	GGGCTGGATA	AACACCAAGA	GTGGAGAGCC	AACATATGCT
G K G	L K W M	G W I	N T K	S G E P	T Y A>
250	260	270	280	290	300
*	*	*	*	*	*
GAAGAGTTCA	AGGGACGGTT	TGCCTTCTCT	TTGGAAACCT	CTGCCAGCAC	TGCCAATTG
E E F	K G R F	A F S	L E T	S A S T	A N L>
310	320	330	340	350	360
*	*	*	*	*	*
CAGATCAAGA	ACCTCAAAAA	TGAGGACACG	GCTACATATT	TCTGTGCAAG	ATGGGTACCT
Q I K	N L K N	E D T	A T Y	F C A R	W V P>
370	380	390	400	410	
*	*	*	*	*	
GGGACCTATG	CCATGGACTA	CTGGGGTCAA	GGAACCTCAG	TCACCGTCTC	CTCA
G T Y	A M D Y	W G Q	G T S	V T V S	S

77A3 heavy chain

1. The first step is to identify the problem or question that needs to be addressed. This involves understanding the context and the specific requirements of the task.

2. Next, it is important to gather relevant information and data. This can be done through research, consultation with experts, or by analyzing existing resources.

3. Once the information is gathered, the next step is to develop a plan or strategy. This involves breaking down the problem into smaller, manageable parts and determining the best approach to solve each part.

4. The fourth step is to implement the plan. This involves putting the strategy into action and monitoring progress to ensure that the goals are being met.

5. Finally, it is important to evaluate the results and make adjustments as needed. This involves reflecting on what worked well and what didn't, and using that information to improve future performance.

Humanized (aa)
Humanized nt (sense)

Humanized m (anti-sense)

Humanized (aa)
Humanized nt (sense)
Humanized nt (anti-sense)

Humanized nt (anti-sense)

Humanized (aa)
Humanized nt (sense)
Humanized nt (anti-sense)

Humanized nt (anti-sense)

Humanized (aa)
Humanized nt (sense)
Humanized nt (anti-sense)

Humanized nt (anti-sense)

Figure 17

hT7A3-1 HEAVY CHAIN SEQUENCES

2	2	2	2	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
2	2	2	1	0	9	8	7	6	5	4	3	2	1	0	9
<hr/>															
M S V L T Q V L A L L L W L T G A R C															
A	T	O	A	T	S	T	C	A	G	S	T	S	T	C	T
T	A	C	T	C	A	G	T	C	A	G	S	T	C	T	C

h77A3-1

Humanized (aa)

Humanized nt (sense)

Humanized nt (and-sense)

h7TA3-1

Humanized (aa)

Humanized m1 (sense)

Humanized nt (anti-sense)

h77A3-1

Humanized (aa)

Humanized nt (sense)

Humanized nt (anti-sense)

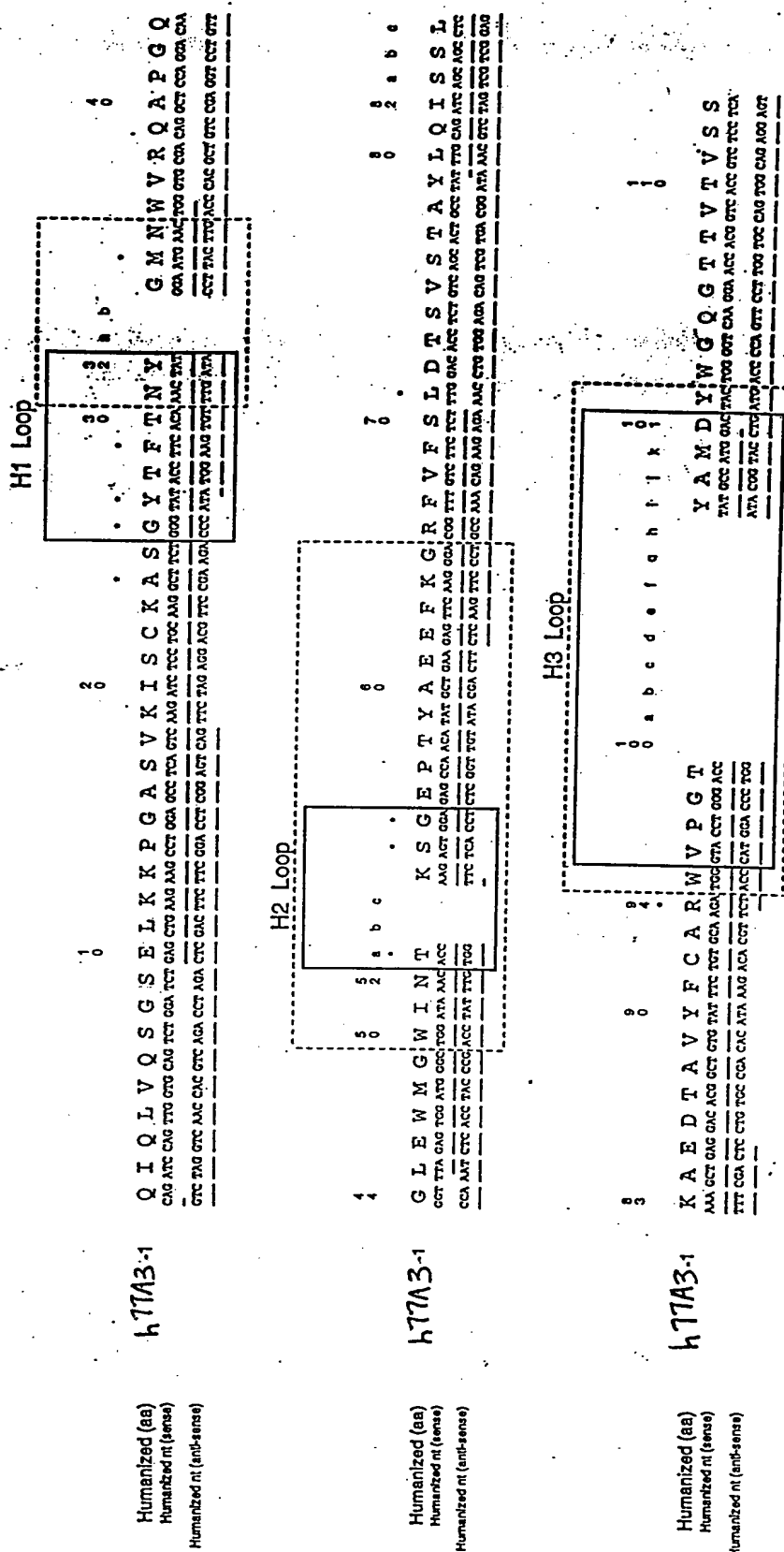
h77A3-1

Humanized (aa)

Humanized nl (sense)

Humanized nt (antagon)

Figure 18



Signal Peptide

477A3 -2

CGA TTG GAA TTC TTG CCG CCG CTT GCT AGC

H1 Loop

h77A3.2

[illegible]

H2 Loop

W77A3-2

[illegible]

H3 Loop

677A3.2

[illegible]

Figure 20

Plasmin Assay
Murine, Chimeric and Humanized 77A3

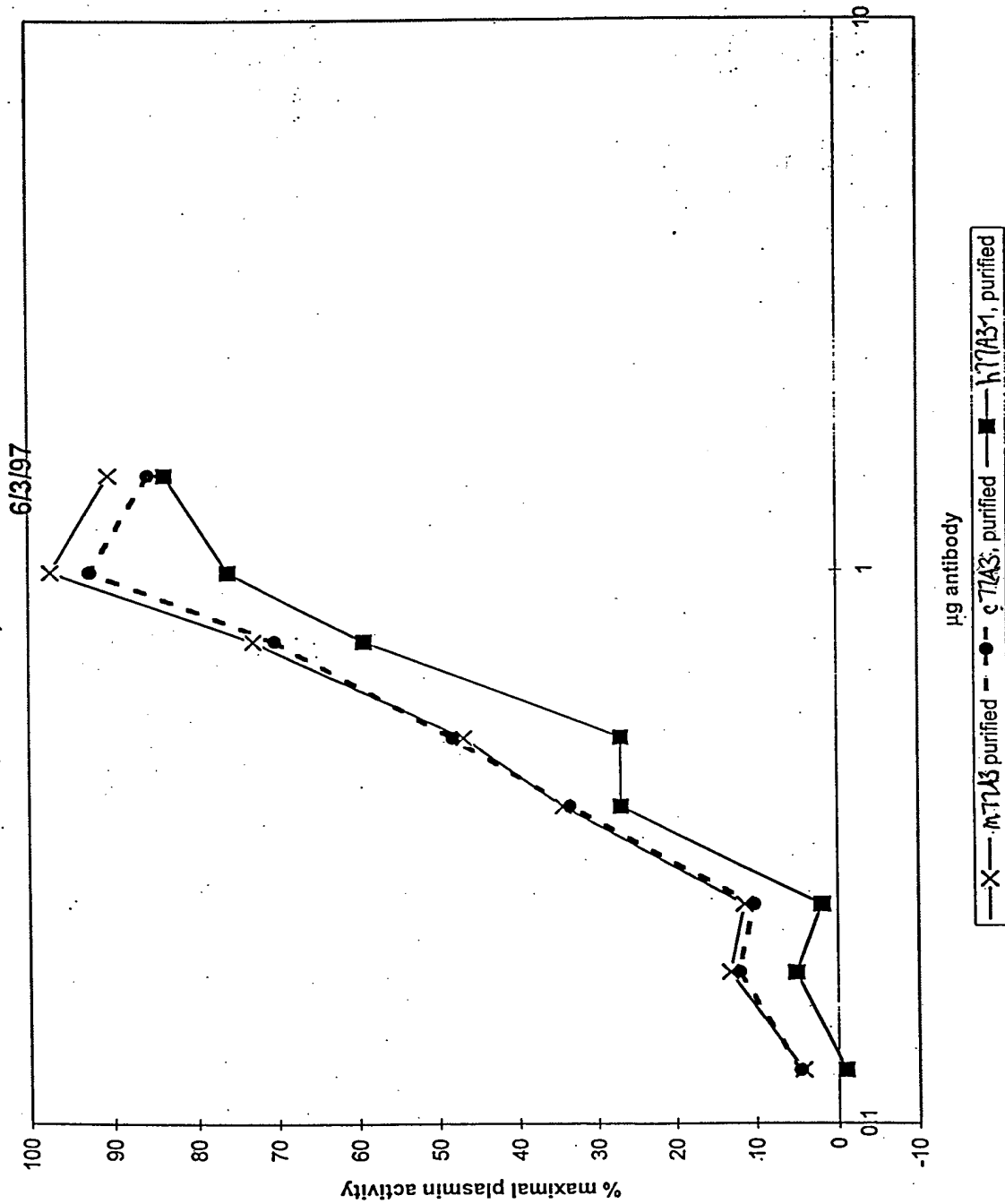


Figure 21

α 2-antiplasmin antibody light chain sequences

h77A3-1 and h77A3-2

m77A3
m49C9
m70B11

murine consensus
77A3/49C9 consensus
all

		L1 Loop																																
		1																			2													
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24									
D	I	Q	M	T	Q	S	P	S	S	L	S	A	S	V	G	D	R	V	T	I	T	C	R	A	S	G	N	I	H	N		Y	L	A
D	I	Q	M	T	Q	S	P	A	S	L	S	A	S	V	G	E	T	V	T	I	T	C	R	A	S	G	N	I	H	N		Y	L	A
D	I	Q	M	T	Q	S	P	A	S	L	S	A	S	V	G	E	T	V	T	I	T	C	R	A	S	G	N	I	H	N		Y	L	A
D	I	Q	M	T	Q	S	P	A	S	L	S	A	S	V	G	E	T	V	T	V	T	C	R	A	S	G	N	I	H	N		Y	L	A
D	I	Q	M	T	Q	S	P	A	S	L	S	A	S	V	G	E	T	V	T	X	T	O	R	A	S	G	N	I	H	N		Y	L	A
D	I	Q	M	T	Q	S	P	A	S	L	S	A	S	V	G	E	T	V	T	I	T	C	R	A	S	G	N	I	H	N		Y	L	A
D	I	Q	M	T	Q	S	P	X	S	L	S	A	S	V	G	X	X	V	T	X	T	C	R	A	S	G	N	I	H	N		Y	L	A

h77A3-1 and h77A3-2

m77A3
m49C9
m70B11

murine consensus
77A3/49C9 consensus
all

		L2 Loop																																					
		3																			5																		
		3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40
W	Y	Q	Q	K	Q	G	K	S	P	Q	L	L	V	Y	N	A	K	T	L	A	S	G	V	P	S	R	F	S	G	S	G	S	G	T	D	F	T	L	T
W	Y	Q	Q	K	Q	G	K	S	P	Q	L	L	V	Y	N	A	K	T	L	A	D	G	V	P	S	R	F	S	G	S	G	S	G	T	Q	F	S	L	K
W	Y	Q	Q	K	Q	G	K	S	P	Q	L	L	V	Y	N	A	K	T	L	A	D	G	V	P	S	R	F	S	G	S	G	S	G	T	Q	F	S	L	R
W	Y	Q	Q	K	Q	G	K	S	P	Q	L	L	V	Y	N	A	R	T	L	A	D	G	V	P	S	R	F	S	G	S	G	S	G	T	Q	Y	S	L	K
W	Y	Q	Q	K	Q	G	K	S	P	Q	L	L	V	Y	N	A	X	T	L	A	D	G	V	P	S	R	F	S	G	S	G	S	G	T	Q	X	S	L	X
W	Y	Q	Q	K	Q	G	K	S	P	Q	L	L	V	Y	N	A	K	T	L	A	D	G	V	P	S	R	F	S	G	S	G	S	G	T	Q	F	S	L	X
W	Y	Q	Q	K	Q	G	K	S	P	Q	L	L	V	Y	N	A	X	T	L	A	X	G	V	P	S	R	F	S	G	S	G	S	G	T	X	X	X	L	X

h77A3-1 and h77A3-2

m77A3
m49C9
m70B11

murine consensus
77A3/49C9 consensus
all

		L3 Loop																																						
		7																			10																			
		7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	41	42	43	44	45
I	S	S	L	Q	P	E	D	F	G	S	H	Y	C	Q	H	F	W	T	T	P				W	T	F	G	G	G	T	K	L	E	I	K					
I	N	S	L	Q	P	E	D	F	G	S	H	Y	C	Q	H	F	W	T	T	P				W	T	F	G	G	G	T	K	L	E	I	K					
I	N	S	L	Q	P	E	D	F	G	S	H	Y	C	Q	H	F	W	T	T	P				W	T	F	G	G	G	T	K	L	E	I	K					
I	N	S	L	Q	P	E	D	F	G	S	Y	Y	C	Q	H	F	W	S	N	P				W	T	F	G	G	G	T	K	L	E	I	K					
I	N	S	L	Q	P	E	D	F	G	S	X	Y	C	Q	H	F	W	X	X	P				W	T	F	G	G	G	T	K	L	E	I	K					
I	N	S	L	Q	P	E	D	F	G	S	H	Y	C	Q	H	F	W	T	T	P				W	T	F	G	G	G	T	K	L	E	I	K					
I	X	S	L	Q	P	E	D	F	G	S	X	Y	C	Q	H	F	W	X	X	P				W	T	F	G	G	G	T	K	L	E	I	K					

α 2-antiplasmin antibody heavy chain sequences

|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|--|

	H2 Loop																					
	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23		
h77A3-1	G	L	E	W	M	G	W	I	N	T	K	S	G	E	P	T	Y	A	E	E	F	K
h77A3-2	G	L	E	W	M	G	W	I	N	T	K	S	G	E	P	T	Y	A	E	E	F	K
m77A3	G	L	K	W	M	G	W	I	N	T	K	S	G	E	P	T	Y	A	E	E	F	K
m49C9	G	L	K	W	M	G	W	I	N	T	K	S	G	E	P	T	Y	A	E	E	F	K
m70B11	G	L	K	W	M	G	W	I	N	T	N	S	G	E	P	T	Y	A	E	E	F	K
humanized consensus	G	L	E	W	M	G	W	I	N	T	K	S	G	E	P	T	Y	A	E	E	F	K
murine consensus	G	L	K	W	M	G	W	I	N	T	X	S	G	E	P	T	Y	A	E	E	F	K
77A3/49C9 consensus	G	L	K	W	M	G	W	I	N	T	K	S	G	E	P	T	Y	A	E	E	F	K
all	G	L	X	W	M	G	W	I	N	T	X	S	G	E	P	T	Y	A	E	E	F	K

	H3 Loop															
	a	b	c	d	e	f	g	h	i	j	k	l	m	n	o	p
h77A3-1	K	A	E	D	T	A	V	F	C	A	R	W	V	P	G	T
h77A3-2	R	S	D	D	T	A	V	F	C	A	R	W	V	P	G	T
m77A3	K	N	E	D	T	A	T	F	C	A	R	W	V	P	G	T
m49C9	R	N	E	D	T	A	T	F	C	A	R	W	V	P	G	T
m70B11	K	N	E	D	S	A	T	F	C	A	R	W	V	P	G	T
humanized consensus	X	X	X	D	T	A	V	F	C	A	R	W	V	P	G	T
murine consensus	X	N	E	D	X	A	T	F	C	A	R	W	V	P	G	T
77A3/49C9 consensus	X	N	E	D	T	A	T	F	C	A	R	W	V	P	G	T
all	X	X	X	D	X	A	T	F	C	A	R	W	V	P	G	T